

T_{js} => Projeto “anotação” de IBI5035/QBQ2507 2016s2

1. Dados para o projeto
 - a. conjunto de sequências de DNA
 - b. cada aluno terá seu próprio conjunto
 - c. disponível em <http://www.iq.usp.br/setubal/bmc/2016>
2. Para entregar
 - a. um **relatório individual** em PDF descrevendo sua análise das suas sequências
 - b. **o nome do PDF contendo o relatório deve ser seu nome e sobrenome concatenados**
 - i. Exemplo: joaoSetubal.pdf
 - ii. esse arquivo deve ser enviado ao professor por email até meia-noite de **22/9/2016**
3. Itens que o relatório deve conter
 - a. A estrutura geral do relatório deve ser aquela de um **artigo científico**, com as seguintes seções
 - i. introdução
 - ii. materiais e métodos
 - iii. resultados
 - iv. discussão e conclusão
 - v. referências
 - b. Na parte de resultados, indicar:
 - i. identificação dos prováveis organismos (ou do parente mais próximo que for possível inferir) que deram origem às sequências. O relatório deve indicar como essa inferência foi obtida e qual a evidência estatística para a inferência. O relatório deve trazer informações sobre os organismos (ou parentes) identificados:
 1. taxonomia completa
 2. se houver genoma completo depositado, características gerais desse genoma
 3. características fisiológicas e ambientais
 - ii. descrição dos genes identificados nas sequências. Quando houver uma identificação confiável, o relatório deve fazer uma descrição da função desse gene, alicerçada em artigos da literatura ou páginas da internet (como Uniprotkb).
 - iii. Quando possível, indicar a associação entre organismo e gene.

Prazo de entrega do relatório: **22/9/2016**