

Perguntas para ajudar a compreensão do conteúdo

Atenção: esta lista de perguntas não é exaustiva!

João Carlos Setubal

2019

disciplina QBQ2507-IBI5035

alinhamentos

- O que é alinhamento global?
- O que é alinhamento local?
- Rodar algoritmo básico de PD sobre 2 sequências de nt
- De onde vem os valores da matriz BLOSUM62?
- Por que usar uma função afim para penalizar buracos?

- O é um e-value em alinhamentos?
- Que relação existe entre % de identidade e e-value?
- Quais as diferenças entre programação dinâmica e BLAST?
- Por que BLAST limita os tamanhos da palavra a apenas 3 valores?

- Explique em palavras o algoritmo de PD para alinhamento múltiplo
- Apresente um algoritmo de PD para calcular distância de edição
- Homologia e similaridade são sinônimos. Verdadeiro ou falso? Justifique
- O que é um falso positivo em BLAST? Como ele pode ocorrer?

- O que é um falso negativo em BLAST? Como ele pode ocorrer?
- O que significa dizer que organismo A compartilha gene com organismo B? ou que gene X está presente em A e B?
- Em quantos organismos um mesmo gene pode estar presente?
- O que é um pan-genoma? E um core genoma?
- Explique como poderíamos obter um alinhamento de ortólogos